

lundi 3/07/2023

9h-10h30 : 1ère moitié de l'atelier BEAST

10h30-11h : Collation

11h-12h30 : 2ème moitié de l'atelier BEAST + repas pour les participants à l'atelier

13h15-14h : accueil des participants aux rencontres et collation

14h-15h : Présentation par Mircea Sofonea : Techniques and issues in real-time modelling & quantitative epidemiology of an emerging infectious disease - the case of SARS-CoV-2 in France

15h15-15h30 : Présentation flash

Wakinyan Benhamou : Inferring the life-history traits of new viral variants from epidemiological and evolutionary dynamics

15h30-16h : collation

16h-18h :

- Nicolas Romain-Scelle (pas dispo mardi matin) : Intérêt des indicateurs écologiques socio-économique et de mobilité dans la modélisation de l'infection par SARS-CoV-2 : un cas d'étude en France
- Bastien Reyné : Non-Markovian modelling and COVID-19 epidemic
- Florian Lecorvaisier : A dynamical model to illustrate the possible evolution of pathogens under imperfect vaccination
- Patrick Hoscheit : TBD

18h-20h : cocktail dînatoire

mardi 4/07/2023

9h-10h30 : Présentation par Elodie Giroux

10h30-11h : Collation

11h-12h30 : Présentations

- Denis Fargette : Paléovirologie de virus de plantes et de champignons; le modèle « Prisoners of War » appliqué à la famille des Solémoviridae
- Nicolas Lartillot : Probabilistic Programming Languages
- Paul Bastide : The Cauchy process to model continuous trait evolution

12h30-14h : Repas

14h-15h15 : Présentation par Sebastian Duchêne

15h15-15h30 : Présentation flash

Denis Fargette : EvoLaps version 2: enhanced visual exploration of phylogeographic scenarios

15h30-16h : Collation

16h-17h : Présentations

Samuel Alizon : CoV-flow: improving Beast2 accessibility and sampling schemes for phylodynamics

Anna Zhukova : Birth-Death models with non-random sampling due to partner notification

mercredi 5/07/2023

9h-10h : Présentation par Laurence Josset

10h15-10h30 : Présentation flash

Armelle Poisson : A serological approach in the eco-epidemiology of tick-borne pathogens in wildlife

10h30-11h : Collation

11h-12h : Présentations

Thomas Cortier : Modeling *L. monocytogenes* within-host infection using genetic tags to decipher the underlying mechanisms of virulence and its fitness advantage

Gharbi Nour : Uncovering epidemic success of the *Mycobacterium tuberculosis* W148 strain

12h : Sandwich